

Anexo I - Planilha com informações dos requisitos para contratação de bolsista

Vaga	Vigência Estimada	Quantidade	Local de trabalho	Carga horária	Requisitos / Atividades a serem desenvolvidas	Valor da Bolsa
Bolsa – Modalidade A	12 meses	1	Embrapa Agroenergia	40	<p><u>Requisitos obrigatórios:</u></p> <p>Profissional de nível superior em bioinformática, computação, biologia, agronomia, biotecnologia ou áreas afins; doutorado em bioinformática, biologia molecular e celular, genética, biotecnologia vegetal ou áreas afins, com experiência efetiva de pelo menos 8 anos em atividades de Pesquisa e Desenvolvimento. Formação sólida em Bioinformática.</p> <p><u>Requisitos Desejáveis (analisados no formulário e na entrevista)</u></p> <p>a) Experiência comprovada de pelo menos quatro anos em análises de bioinformática, com doutorado e/ou publicações científicas na área;</p> <p>b) Fluência em Linux, Shell Script, e pelo menos uma das linguagens de programação a seguir: C/C++, Python ou Perl. Independência em análises de bioinformática. Boa capacidade de trabalho em equipe, remota ou presencialmente, de documentação de análises e geração de relatórios. Nível intermediário de inglês ou fluência, principalmente leitura e escrita.</p> <p>c) Diferenciais: Boa capacidade de análise crítica de artigos científicos, domínio em desenho e entrega (delivery) de moléculas de dsRNA, uso de ferramentas de bioinformática para análises de genômica e transcriptômica para gene discovery e RNAi, experiência comprovada de trabalhos envolvendo a tecnologia de RNAi, preferencialmente envolvendo controle de insetos-praga e/ou nematoides ou experiência em desenvolvimento de sistemas web.</p> <p><u>Requisitos desejáveis (analisados na entrevista):</u></p> <p>a) Os detalhes dos trabalhos do bolsista serão definidos em conjunto entre o candidato selecionado e os pesquisadores participantes do projeto.</p>	R\$ 6.000,00 mensal

					<p><u>Atividades a serem desenvolvidas:</u></p> <p>a) Análise de dados biológicos, desenvolvimento de ferramentas computacionais, mineração de dados biológicos, anotação de estruturas genômicas e análises "ômicas" relacionadas a RNAi.</p>	
--	--	--	--	--	--	--